

张晓君：男，博士，研究员。研究方向为微生物生态学。主要从事工业废水微生物处理过程微生物群落结构与功能分析、功能菌分离、功能基因的克隆、农业土壤环境的分子生态学等方面的研究工作。近几年研究的重点是对焦化废水这一难降解工业废水的微生物群落的深入研究，通过以喹啉反硝化降解反应器为模型揭示了菌群结构和特定基因组成及其变化规律；特别关注 *Thauera* 属细菌这类重要的污染物分解菌，创建了一套分析 *Thauera* 属细菌的方法，为研究重要降解功能菌奠定了良好基础；在分子标识物引导的群落内关键菌群的分离技术方面有所创新，并分离了一批反硝化降解菌，研究了这些降解菌的特性。与挪威农业大学合作研究农田土壤系统中反硝化菌群与氮循环关系，揭示了反硝化基因表达与调控机制。先后主持了4项国家自然科学基金面上项目、及科技部重点研发计划子课题、863重点项目子课题、教育部留学回国人员启动基金、上海市农委重点科技攻关项目、多项上海市国际合作项目等科研课题，作为骨干参加了中石化科技创新项目等科研课题。曾获上海交通大学晨星学者、优秀教师等奖励。现任中国微生物学会环境微生物专业委员会委员，上海市微生物学会常务理事、副秘书长。发表学术论文一百余篇。

2、教育经历

- 1986年—1990年，兰州大学，生物系，学士
- 1992年—1995年，兰州大学，生命科学学院，硕士
- 1999年—2002年，中科院寒区旱区环境工程研究所，博士

3、研究工作经历

- 1995年—1999年，兰州大学，生命科学学院，讲师
- 2002年—2004年，挪威生命科学大学，博士后
- 2004年-2012.12，上海交通大学，生命科学技术学院，副教授
- 2006-2007年，法国里昂第一大学，微生物生态学实验室，访问学者
- 2012.12-至今，上海交通大学，生命科学技术学院，研究员

4、科研方向

- 1) 微生物群落的分子生态学与生态基因组学；
- 2) 有机污染物反硝化降解菌群结构和功能关系研究；
- 3) 农田土壤系统中反硝化菌群与氮循环关系研究。

涉及工业废水微生物处理过程微生物群落结构与功能分析、功能菌分离、功能基因的克隆、元基因组学、以及农业土壤环境的分子生态学等方面的研究。